

FMO計算によるタンパク質 – 固体表面の相互作用 SiO₂ 基板とペプチドの特異的吸着

FMO・タンパク質相互作用解析グループ;

立教大学望月祐志みずほ情報総研福澤薫*,塚本貴志、加藤昭史、渡辺尚貴東京大学生産研沖山佳生、渡邉千鶴神戸大学田中成典国立衛生研中野達也NEC坂倉耕太、山本純一

RISS Research and Development of Innovative Simulation Software

FMO計算によるタンパク質一固体表面の相互作用

ナノ・バイオ複合系における課題(生体分子の結合特異性を利用)

- ▶ インプラントの設計と生体親和性の評価
- ▶ 医療計測:バイオセンサー、ナノイメージング、lab-on-a-chip
- ▶ バイオミネラリゼーションの活用
- ▶ ものづくり分野:半導体デバイス製造工程の制御

結晶分野における従来法

- 第一原理分子動力学法 量子論に基づいた分子レベルの挙動解明ができるが、小さい系(イオン、 化合物の吸着程度)にしか適用できない。
- ▶ 古典分子動力学法 経験パラメタに依存、ナノバイオ複合系のパラメタは十分に整備されてい ない。

従来創薬分子設計のツールとして用いられてきたFMO法をシリカ結晶へ拡張 FMO法であれば、広い吸着面の確保、ペプチド鎖の吸着も容易。 分子設計に有用な相互作用解析を定量的に行うことが可能

FMO法による創薬分子設計:インフルエンザNAとタミフルの例

薬剤分子を機能部位(官能基)ごとにフラグメント分割し、相互作用を定量的に解析



インフルエンザウイルスの表面タンパク質 NAの機能を阻害

基質よりも強く結合する化合物をデザイン FMO計算により得られるエネルギー指標が 利用可能





3

Pro4

Ala6

Asp5_s

SiO2結晶へのペプチド吸着のFMO計算

Y. Okiyama, T. Tsukamoto, C. Watanabe, K. Fukuzawa, S. Tanaka & Y. Mochizuki, CPL 566, 25-31 (2013).

Lys2

Arg1

SiO2表面と6アミノ酸残基(Arg1-Lys2-Leu3-Pro4-Asp5-Ala6)の複合体 ⇒ ペプチドの各アミノ酸残基とSiO2基板との相互作用が定量的に得られる 吸着における重要な残基を特定可能



分割単位での相互作用エネルギー解析

SiO2結晶ーペプチド間の相互作用

Okiyama, et. al., CPL 566, 25-31 (2013).

シリカ結晶ーペプチド間の相互作用エネルギーの可視化



- Arg(R), Lys(K), Asp(D)の荷電残基(側鎖)からの安定化エネルギーが大きい
- ・ 水和によって安定化は若干減じる、固体とペプチド側との電荷移動は有り

RISS Research and Development of Innovative Simulation Software

電荷移動相互作用と遮蔽効果(SCIFIE)

Ref.; Okiyama et al., Chem. Phys. Lett. 566 (2013) 25.





ペプチド→シリカ間の電荷移動:0.13e 特にD5からの電子供与、 R1への逆供与が大きい 静電力に加えて電荷移動力が重要





CI-

	相互作用エネル ギー (kcal/mol)		NBO電荷		
	SiO ₂	水	SiO ₂	イオン	水
Na ⁺	-48.3	-172.4	0.01	0.93	0.06
Cl-	0.8	-140.0	-0.20	-0.85	0.05

※6構造の平均値

≻一般的な鉱物表面へのイオン吸着問題に適用可能
>半導体表面の化合物吸着・化学反応でも同様

引力と斥力が混在

Na⁺



従来創薬分子設計のツールとして用いられてきたFMO法をシリカ結晶へ拡張 することに成功した。

- ➢ FMO4法で精度が保障できるフラグメント分割方法を確立
- > プログラムの整備により実用化
- ▶ シリカ結晶ーペプチド系のFMO計算によって、特異的結合の定量的解析 が可能であることを実証

FMO法では、広い吸着面を確保でき、量子論に基づいた精密計算が可能 > ペプチド鎖の吸着 ⇒ 医療計測、インプラントのデザインなど

▶ イオンの吸着 ⇒ 地球科学、原子力

▶ 化合物の吸着・化学反応 ⇒ 半導体デバイス製造工程の制御など